

Identification du patient (étiquette Gustave Roussy) Nom : Prénom : Né(e) le :	Service demandeur Service/Comité : Médecin : Tél. :	Identification du préleveur Nom : Prénom : Qualité :
---	---	--

Date et heure du prélèvement :

Prélèvements associés : ♦ Pièce opératoire ♦ Biopsie

Renseignements cliniques et traitement en cours :	Diagnostic :
---	--------------

SERVICE D'HÉMATOLOGIE BIOLOGIQUE - TÉL. 40 72

NATURE DU PRÉLÈVEMENT

- | | |
|---|---|
| ♦ MOËLLE : préciser MO sur le tube | ♦ SANG : préciser SG sur le tube |
| Os Ponctionné : ST CIPG CIPD CIAG CIAD | |
| Dureté : Normal ☐ Mou ☐ Dur ☐ Friable ☐ | |
| ♦ Cytoponction : | Ganglion/siège : Autre masse : |
| ♦ Liquide : | ♦ LCR ♦ Ascite ♦ Pleural ♦ Autre : |

EXAMENS DEMANDÉS

- ♦ Lecture cytologique

- ♦ Immunophénotypage
♦ Biologie moléculaire : **prescrire ci-dessous**

- ♦ Cellulothèque (CRB)
adresser le consentement éclairé du patient

**10 ml de sang Tube EDTA
et/ou 2 CC Moëlle Tube EDTA**

SERVICE DE PATHOLOGIE MOLÉCULAIRE

HÉMATOLOGIE MOLÉCULAIRE - Tél. 50 95

- ♦ Diagnostic : bilan standard (verso) ou entourez (infra)
♦ Rechute : bilan standard (verso) ou entourez (infra)
♦ Maladie résiduelle : précisez ou entourez le marqueur
 o Transcrit-ARN (hors EVI-1):
 o Mutation-ADN :
 o NGS-ADN: après accord du biologiste

LABO CYTOGÉNÉTIQUE - Tél. 54 18

- ♦ Caryotype / FISH :
♦ Mutations BRAF (Myélomes)

**Moëlle : tube à caryotype fourni par le labo ou
sang : héparinate de lithium (Tube Vert)**

- ♦ Chimérisme FISH Y : (sex Mis Match uniquement)
10 ml de sang sur Héparinate de lithium

ANALYSE(S) MOLÉCULAIRE(S) DEMANDÉE(S) :

- **ADN (Tube EDTA, Sang 10 ml, Moëlle 1-2 ml)**

- o Chimérisme post-allogreffe
o Panel NGS myéloïde (liste au verso)
o Mutations de gènes

JAK2 CALR MPL NPM1 FLT3 CEBPA IDH1 IDH2

- o Autres mutations : panel NGS au verso
o Clonalité IgH/TCR (envoi extérieur)

- **ARN (Tube PAXgene, Sang 2.5 ml, Moëlle 1-2 ml)**

- o Surexpression : WT1 EVI-1
o Transcrits de fusion :

BCR/ABL FIP1L1/PDGFRα DEK/NUP214
CBFB/MYH11 RUNX1/RUNX1T1 PML/RARA

- o Autre transcrit après accord du biologiste :

Bilan LAM standard (diagnostic) (LAM, AREB-1, AREB-2)	Mutations: NPM1, FLT3, CEBPA/Indel, Panel NGS myéloïde Surexpression et transcrits de fusions: WT1, EVI-1, CBFB/MYH11, RUNX1/RUNX1T1
Bilan SMD sans excès de blastes	Panel NGS myéloïde
Bilan LMMC-1, LMMC-2 standard	Panel NGS myéloïde, JAK2 V617F, surexpression WT1
Bilan cytopénie idiopathique (ICUS)	Panel NGS myéloïde
Dysplasie idiopathique (IDUS)	Panel NGS myéloïde
Recherche d'hématopoïèse clonale (CHIP)	Panel NGS myéloïde (sensibilité 1 à 3%), panel hot spot (sensibilité 0,1%)
Bilan prédisposition LAM (selon OMS 2016)	Panel NGS myéloïde
Bilan LAL-B LAL-T standard (diagnostic et suivi)	BCR/ABL local + envoi extérieur
Étude du chimérisme (STR)	Analyse de fragments (Informativité : 1% à 99% donneur/receveur)
Étude du Chimérisme de patients non informatifs avec donneur de sexe identique	Panel NGS myéloïde (Informativité 1% à 99% donneur/receveur)
ÉTUDE DE LA MALADIE RÉSIDUELLE – MARQUEURS INFORMATIFS ET LEUR SENSIBILITÉ THÉORIQUE	
4 à 5 log réduction (0,001% à 0,01%)	Transcrits de fusion, NPM1, JAK2, IgH/TCR clono-spécifiques
2 à 3 log réduction (0,1% à 1%)	Surexpression WT1, NGS (panel hot-spot)
2 log réduction (1%)	CALR

PANEL NGS MYÉLOÏDE Évolutions possibles - se référer au compte rendu Jan-17 : 45 gènes * avr-17 : 55 gènes	ABL1*, ANKRD26*, ASXL1, ASXL2, ATM, BCOR, BCORL1*, BRAF*, CALR, CBL, CEBPA, CHEK2*, CSF3R, CUX1*, DDX41, DNMT3A, ETV6, ETNK1, EZH2, FLT3, GATA2, HRAS, IDH1, IDH2, IKZF1, JAK2, KDM6A*, KIT, KRAS, MECOM*, MPL, NF1, NFE2*, NIPBL*, NPM1, NRAS, PHF6, PPM1D*, PTPN11, RAD21, RIT1*, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRP72*, SRSF2, STAG2, TERC*, TERT*, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZRSR2, ATG2B LOH
---	---

PANEL NGS hot-spot haute sensibilité sur décision RCP préalable : MRD, pré-alloG, CHIP, autres cas	ASXL1, BCOR,CALR, CBL, CHEK2, CEBPA, DNMT3A,GATA2,IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, MPL, NF1, NPM1, NRAS, PHF6, PPM1D, PTPN11, RUNX1, SETBP1, STAG2,SF3B1, SRSF2, TET2, TP53, U2AF1, WT1
--	--