

SERVICE DE GENETIQUE
DES TUMEURS
DR E.ROULEAU
CHEF DE SERVICE
Tél. : 33 (0)1 42 11 44 08
etienne.rouleau@gustaveroussy.fr

BIOLOGIE MOLÉCULAIRE
DR S.COTTERET
Tél. : 33 (0)1 42 11 41 45
sophie.cotteret@gustaveroussy.fr

DR L.LACROIX
Tél. : 33 (0)1 42 11 40 35
ludovic.lacroix@gustaveroussy.fr

DR D. VASSEUR
Tél. : 33 (0)1 42 11 43 64
damien.vasseur@gustaveroussy.fr

CYTOGÉNÉTIQUE
DR N.AUGER
agrément en cytogénétique AG13-3863GEN
Tél. : 33 (0)1 42 11 65 49
nathalie.auger@gustaveroussy.fr

DR S.COTTERET
Tél. : 33 (0)1 42 11 41 45
sophie.cotteret@gustaveroussy.fr

DR A.VALENT
agrément en cytogénétique AG13-4248GEN
Tél. : 33 (0)1 42 11 54 21
alexander.valent@gustaveroussy.fr

F.COCHETEU
CADRE PLATEFORME
DE GENETIQUE DES TUMEURS
Tél. : 33 (0)1 42 11 65 92
Florence.cocheteux@gustaveroussy.fr

SECRETARIAT
A.GALLAND
Tél. : 33 (0)1 42 11 47 79
aude.galland@gustaveroussy.fr

N.CASTOR
Tél. : 33 (0)1 42 11 40 70
natacha.castor@gustaveroussy.fr

A.DAMIAN
Tél. : 33 (0)1 42 11 40 23
audrey.windels@gustaveroussy.fr

Fax : 33 (0)1 42 11 44 01

DEMANDE DE RECHERCHE DE MUTATIONS SOMATIQUES TUMEURS SOLIDES

Demande à transmettre à GD-BIOPATH-SECRETARIAT-COREBIOPATH@gustaveroussy.fr

Patient

NOM :

Prénom :

NIP :

Date naissance :

Sexe ☐ F ☐ H

Renseignements cliniques

Indication :

Localisation :

☐ tumeur primitive ☐ métastase

☐ rechute ☐ post-chimio

Traitement : ☐ non ☐ antérieur ☐ en cours

lequel ? :

Prélèvement

Date prélèvement :

N° histo :

% cellules tumorales :

Type prélèvement

☐ biopsie ☐ pièce opératoire

☐ cytoponction ☐ autre

Nature prélèvement

☐ tumeur fraîche

☐ tumeur congelée

☐ FFPE

☐ ADN

Prescripteur

Médecin : Tél. : Fax :

Service :

Autre destinataire :

Date de prescription : Signature :

CADRE RESERVE AU LABORATOIRE

Conformité de la demande : ☐ oui ☐ non

Date réception :

Identifiant technicien(ne) :

PRESCRIPTION

(bloc de paraffine ou copeaux ou ADN ou tissu frais ou tumeurs congelées)

Recherche de mutations

☐ Panel Colon (KRAS BRAF NRAS)

☐ Criblage somatique MMR

☐ Panel Mélanome (BRAF NRAS KIT)

☐ Panel Poumon

(EGFR KRAS BRAF PIK3CA MET HER2) inclut les fusions

☐ Panel Ovaire (BRCA HRR) ☐ Score GIS

☐ Panel Endomètre (POLE TP53)

☐ Panel Sein (PIK3CA BRCA HER2 ESR1)

☐ Panel Prostate (BRCA)

☐ Panel GIST (PDGFRA KIT)

☐ Panel Pancréas (BRCA)

☐ Panel Cholangiocarcinome (fusion FGFR2 / Mutations FGFR2-IDH2)

☐ Panel Thyroïde carcinome médullaire (RET)

☐ Panel Thyroïde autre

(BRAF NRAS KRAS HRAS) inclut les fusions

☐ Panel Cordons sexuels (DICER FOXL2)

☐ CTNNB1

☐ Autre gène

Recherche de transcrits de fusion

☐ RNA Seq (fusions sur panel ciblé)

Statut MMR tumoral

☐ Test MSI

☐ IHC à faire

☐ Hyperméthylation MLH1

☐ Hyperméthylation BRCA1

Endopredict

Analyse tissulaire pour la recherche d'une prédisposition au cancer

☐ tissu sain (de préférence)

☐ tissu tumoral (par défaut)

FISH :

☐ Sonde (verso) :

MODE D'ENVOI DES PRELEVEMENTS

En carboglace (du lundi au jeudi) :

- fragments tumoraux congelés

A température ambiante :

- prélèvements frais : en milieu de culture type RPMI stérile
- bloc de paraffine (joindre 1 lame HES précisant la zone d'intérêt),
- lames, copeaux

Envoi des prélèvements à :

Accueil CORE BIOPATH, GUSTAVE ROUSSY, 114 rue Édouard Vaillant, 94805 VILLEJUIF Cedex

PANEL NGS CIBLE	AKT1,ALK ,BRAF,CTNNB1,DNMT3A,EGFR,ERBB2,ERBB3,FGFR1,FGFR2,FGFR3, FOXL2, GNAS,HRAS, IDH1, IDH2,KIT,KRAS, MAP2K1, MAP2K2,MET, NRAS, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PIK3CA, PPARG, PTEN, RAF1, RET, ROS1, TERT_PROM, TP53,
PANEL NGS LARGE	AKT1 (exon 3), AKT2 (exon 3), AKT3(exon 2), ALK (exons 20 à 29), APC (exon 2 à 16), AR (exon 4 à 7), ARID1A (exons 1 à 20), ATM (exons 2 à 63), BAP1 (exons 1 à 17), BARD1 (exons 1 à 11), BRAF (exons 11 et 15), BRCA1 (exons 2 à 3 et 5 à 24), BRCA2 (exons 2 à 27), BRIP1(exons 2 à 20), CCND1 (exon 1 à 5), CCNE1 (exons 2 à 12), CDH1 (exons 1 à 16), CDK12 (exons 1 à 14), CDK4 (exon 2), CDK6 (exon 2 à 8), CDKN2A (p16)(p14), CHEK2 (exons 2 à 15), CREBBP (exon 1 à 31), CTNNB1 (exon 3), CYP2D6 (exon 1 à 9), DDR2 (exon 17), DICER1 (exons 2 à 27), DPYD (exon 1 à 23), EGFR (exons 2 à 24), ELP1 (exon 2 à 37), ERBB2 (exons 8, 17 à 25), ERBB3 (exon 3, 6, 8 à 9 et 17 à 23), ESR1 (exons 4 à 8), EZH2 (exon 16), FANCA (exons 1 à 43), FBXW7 (exons 2 à 12), FGFR1 (exons 4, 7, 12, 14 et 15), FGFR2 (exons 3,7 à 9, 12, 14 et 17), FGFR3(exons 7, 9, 12, 14, 16 et 18), FH (exons 1 à 10), FLCN (exon 4 à 14), FOXA1 (exon 2), FOXL2 (exon 1), GATA3 (exon 2 à 6), GNA11 (exon 4 et 5), GNAQ (exon 2, 4 et 5), GNAS (exon 6 , 8 et 9), H3F3A (exon 2), HIST1H3B (exon 1), HOXB13 (exon 1 et 2), HRAS (exon 2 à 4), IDH1 (exon 4), IDH2 (exon 4), KEAP1 (exon 2 à 6), KIT (exons 8 à 21), KRAS (exons 2 à 4), MAP2K1 (exons 2 à 7), MAP2K2 (exons 2 à 7), MED12 (exon 2), MEN1 (exon 3 à 11), MET (exons 1 à 21), MLH1 (exons 1 à 19), MSH2 (exons 1 à 16), MSH6 (exons 1 à 10), MUTYH (exon 1 à 16), MYCN (exon 2), MYOD1 (exon 1), NBN (exon 1 à 16), NF1 (exon 1 à 58), NFE2L2 (exon 2), NRAS (exon 2 à 4), NTRK1 (exons 13 à 17), NTRK2 (exons 17 à 21), NTRK3 (exon 15 à 20), NUDT15 (exon 1 à 3), PALB2 (exons 1 à 13), PDGFRA (exons 12 à 21), PIK3CA (exons 2 à 21), PIK3R1 (exon 2 à 16), PMS2 (exons 1 à 15), POLD1 (exons 5 à 15 et 23 à 24), POLE (exons 9 à 28), PPP2R1A (exon 5 et 6), PTEN (exon 1 à 9), RAC1 (exon 2), RAD51 (exon 2 à 10), RAD51B (exons 2 à 11), RAD51C (exon 1 à 9), RAD51D (exon 1 à 10), RAD54L (exons 1 à 18), RARA (exon 5 à 9), RB1 (exon 1 à 27), RET (exons 8 à 19), RHOA (exon 2), RNF43 (exons 2 à 10), ROS1 (exons 36 à 42), SF3B1 (exons 13 à 20), SMAD4 (exon 2 à 12), SMARCA4 (exon 2 à 36), SMARCB1 (exon 1 à 9), SPOP (exon 5 et 6), STK11 (exon 1 à 9), SUFU (exon 1 à 12), TERT (promoteur) TP53 (exon 1 à 11), TPMT (exon 2 à 9), U2AF1 (exon 2), UGT1A1 (exon 1 à 5), VHL (exon 1 à 3)
FUSION SARCOME	ALK, BCOR, BRAF, CAMTA1, CCNB3, CIC, COL6A3, CREB3L1, CREB3L2, CRTC1, CSF1, DDIT3, EMILIN2, EPC1, ERG, EWSR1, FOXO1, FUS, GLI1, HMGA2, JAZF1, KANSL1, MEAF6, MET, MKL2, MYH10, NCOA2, NR4A3, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PAX3, PDGFB, PDGFD, PHF1, PLAG1, RET, ROS1, SS18, STAT6, TAF15, TCF12, TFE3, TFG, USP6, WT1, YWHAE, CHMP2A, VCP, RAB7A, GPI
FUSION POUMON	AKT1, ALK, AXL, BRAF, CALCA, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KRAS, KRT20, KRT7, MAP2K1, MET, NRAS, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PIK3CA, PPARG, PTH, RAF1, RET, ROS1, SLC5A5, THADA, TTF1
SONDES DE FISH	ALK, BCL2, BCL2/IGH, BCL6, CCND1/IGH, CDKN2A/CEN9, CKS1B/CDKN2C, COL1A1, COL1A1/PDGFB, DDIT3, ETV6, EWSR1, FGFR1/Cen8, FGFR3/IGH, FOXO1, FOXO1/PAX3, FOXO1/PAX7, FUS, IGH, IGL, IGK, IRF4,DUSP22, HER2/CEP 17, JAZF1, MALT1, MAML2, MDM2/Cen12, MET/Cen7 , MYB, NUTM1, MYC, MYC/CEN8, MYC/IGH, MYCN/2q11, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFB, PDGFRB, RET, ROSS, SS18, TERT, TFE3, TP53/CEN17, USP6, Tel12p, YWHAE